**Załącznik nr 2 do Ogłoszenia Formularz asortymentowo-cenowy**

**FORMULARZ ASORTYMENTOWO-CENOWY**

umożliwiający klasyfikację oferty w kryterium cena

Dane Oferenta - nazwa Oferenta i adres siedziby

……………………………………………………………………………………………………………………………………………………….…….…….

…………………………………………………………….………………………………………………………………………………………………..……

|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Numer pakietu** | **Nazwa pakietu** | **Zakres analizy/ metoda/ uwagi** | **Przewidywana liczba badań w trakcie trwania umowy  (2 lata)** | **Czas oczekiwania na wynik** | **Cena jednostkowe za badanie** | **Wartość zamówienia**  **(6 = 3 x 5)** |
|  | 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 |
| **1** | **FISH ze znakowaną sondą locus specyficzną przygotowaną w Pracowni** | **FISH ze znakowaną sondą (z zastosowaniem sond przygotowywanych w Pracowni, procedura GEN-105A i GEN-105B)**  **Metoda stosowana jest do identyfikacji nieprawidłowości, których pochodzenie chromosomowe nie może być ustalone w standardowej ocenie kariotypu oraz do weryfikacji wyników badań uzyskanych metodami MLPA i CGH do mikromacierzy** | **100** |  |  |  |
| **2** | **FISH z komercyjną sondą locus specyficzną** | **FISH ze znakowaną sondą (z zastosowaniem sond komercyjnych, procedura GEN-105A i GEN-105B)**  **Metoda stosowana jest do identyfikacji nieprawidłowości, których pochodzenie chromosomowe nie może być ustalone w standardowej ocenie kariotypu oraz do weryfikacji wyników badań uzyskanych metodami MLPA i CGH do mikromacierzy** | **100** |  |  |  |
| **3** | **kariotyp molekularny** | **Badanie metodą CGH do mikromacierzy** | **100** |  |  |  |
| **4** | **hodowla fibroblastów do diagnostyki enzymatycznej chorób lizosomalnych** | **-** | **100** |  |  |  |
| **5** | **panel nadciśnienie płucne** | **metodą NGS z oceną zmian typu SNV i CNV** | **30** |  |  |  |
| **6** | **Naczyniaki jamiste ośrodkowego układu nerwowego** | **Analiza NGS genów CCM2; KRIT1; PDCD10; RASA1** | **20** |  |  |  |
| **7** | **analiza pojedynczego genu metodą NGS z oceną SNV i CNV dostępnego w ofercie laboratorium** | **metodą NGS z oceną SNV i CNV** | **200** |  |  |  |
| **8** | **analiza pojedynczego genu metodą NGS z oceną SNV dostępnego w ofercie laboratorium** | **metodą NGS z oceną zmian typu SNV** | **200** |  |  |  |
| **9** | **analiza metodą Sangera wybranego genu obejmującego max 5 eksonów dostępna w ofercie laboratorium** | **Analiza sekwencjonowania metodą Sangera wybranego genu obejmująca max. 5 eksonów (amplikonów) z interpretacją wyniku (sprawozdanie) - dla 1 próbki** | **100** |  |  |  |
| **10** | **Analiza całego genu RB1 metodą NGS** | **NGS** | **80** |  |  |  |
| **11** | **Analiza nosicielstwa znanego wariantu molekularnego w genie RB1 metodą Sangera, (potwierdzenie jednej mutacji metodą Sangera)** | **Metoda Sangera** | **120** |  |  |  |
| **12** | **Choroba Niemanna-Picka, typ A, B** | **Badany gen, region:**  **SMPD1** | **20** |  |  |  |

**......................................... .........................................**

(Miejscowość, data) (podpis Oferenta)